

FORMATO  
EUROPEO PER IL  
CURRICULUM  
VITAE



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome **FRANCESCA FERRARI**

Indirizzo

Telefono

Fax

E-mail

Nazionalità

- Date (da – a) Da settembre 2014 a data odierna
- Nome e indirizzo del datore di lavoro Fondazione IRCCS Ca' Granda Ospedale Maggiore Policlinico – Via F. Sforza 28 - Milano
  - Tipo di azienda o settore U.O.S. Laboratorio di Genetica Medica - U.O. Laboratorio Centrale – Dipartimento dei Servizi
  - Borsa di ricerca: "Inquadramento clinico, genetico e fisiopatologico dei pazienti affetti da malattia policistica renale".
- Principali mansioni e responsabilità Diagnosi genetica di Rene Policistico Autosomico Dominante in pazienti adulti e pediatrici mediante analisi mutazionale dei geni *PKD1* e *PKD2*.  
Tecniche utilizzate: *Next Generation Sequencing* mediante "targeted resequencing" con *MiSeq System (Illumina)*; verifica del *coverage* delle regioni *target* mediante la piattaforma *IGV (Integrative Genomics Viewer)* o *SureSelect*; utilizzo della piattaforma *Galaxy* integrata con le tecnologie di *cloud computing* sviluppate al *CRS4 Bioinformatics Laboratory* per l'interpretazione dei dati *NGS*; sequenziamento *Sanger*; analisi delle sequenze *Sanger* mediante software dedicati (*Sequencher*, *SeqScape*); *M.L.P.A. (Multiplex ligation-dependent probe amplification)* ed analisi dati mediante software *Coffalyser NET™*, utilizzo dei programmi *Blast*, *ClustalW2* per l'analisi genica e utilizzo dei programmi *SIFT*, *Poliphen*, *Align GVGD*, *Mutation Taster*, *ConSurf Server*, *BDGP*, *Human Splicing Finder*, *SpliceView*, *ESEfinder* per l'interpretazione delle varianti di sequenza.
- Date (da – a) Da gennaio 2014 ad agosto 2014
- Nome e indirizzo del datore di lavoro Fondazione IRCCS Ca' Granda Ospedale Maggiore Policlinico – Via F. Sforza 28 - Milano
  - Tipo di azienda o settore U.O.S. Laboratorio di Genetica Medica - U.O. Laboratorio Centrale – Dipartimento dei Servizi
  - Borsa di ricerca: "Applicazione della tecnologia *Next Generation Sequencing* nella diagnosi molecolare di pazienti affetti da malattia renale policistica autosomica dominante".
- Principali mansioni e responsabilità Diagnosi genetica di Rene Policistico Autosomico Dominante in pazienti pediatrici e adulti mediante analisi mutazionale dei geni *PKD1* e *PKD2*.

Tecniche utilizzate: *sequenziamento Sanger*; analisi delle sequenze Sanger mediante software dedicati (*Sequencher*, *SeqScape*); *Next Generation Sequencing* mediante "*targeted resequencing*" sulla piattaforma *MiSeq System* (*Illumina*); *M.L.P.A.* (*Multiplex ligation-dependent probe amplification*) ed analisi dati mediante software *Coffalyser*; utilizzo dei programmi *Blast*, *ClustalW* per l'analisi genica e utilizzo dei programmi *SIFT*, *Poliphen*, *Align GVGD*, *Mutation Taster*, *ConSurf Server*, *BDGP*, *Human Splicing Finder*, *SpliceView*, *ESEfinder* per l'interpretazione delle varianti di sequenza.

Estrazione DNA da tessuto cistico renale, sequenziamento geni *PKD1*, *PKD2* per ricerca mutazione somatica.

- Date (da – a) Da ottobre 2013 a dicembre 2013
- Nome e indirizzo del datore di lavoro Fondazione IRCCS Ca' Granda Ospedale Maggiore Policlinico – Via F. Sforza 28 - Milano
- Tipo di azienda o settore U.O.S. Laboratorio di Genetica Medica - U.O. Laboratorio Centrale - Dipartimento dei Servizi  
Incarico di collaborazione occasionale nell'ambito del progetto di ricerca corrente 2013 dal titolo "Outcome clinici renali ed extrarenali nel trapianto di rene"
- Principali mansioni e responsabilità Diagnosi genetica di Rene Policistico Autosomico Dominante in pazienti pediatrici e adulti mediante analisi mutazionale dei geni *PKD1* e *PKD2*.  
Tecniche utilizzate: sequenziamento Sanger; analisi delle sequenze Sanger mediante software dedicati (*Sequencher*, *SeqScape*); *M.L.P.A.* (*Multiplex ligation-dependent probe amplification*); estrazione RNA totale con *Qiagen QIAamp RNA Mini Kits*, *Reverse Transcriptase PCR*; utilizzo dei programmi *ClustalW*, *SIFT*, *Poliphen*, *Align GVGD*, *Mutation Taster*, *ConSurf Server*, *BDGP*, *Human Splicing Finder* per l'interpretazione delle variazioni di sequenza.

- Date (da – a) Da ottobre 2012 a settembre 2013
- Nome e indirizzo del datore di lavoro Fondazione IRCCS Ca' Granda Ospedale Maggiore Policlinico – Via F. Sforza 28 - Milano
- Tipo di azienda o settore U.O.S. Laboratorio di Genetica Medica - U.O. Laboratorio Centrale - Dipartimento dei Servizi  
Borsa di ricerca: "*Analisi genetica molecolare di patologie renali*"
- Principali mansioni e responsabilità Diagnosi genetica di Rene Policistico Autosomico Dominante in pazienti pediatrici e adulti mediante analisi mutazionale dei geni *PKD1* e *PKD2*.  
Tecniche utilizzate: sequenziamento, *MLPA*, analisi delle sequenze mediante software dedicato, utilizzo dei programmi *Blast*, *Clustaw*, *SIFT*, *Poliphen*, *Align GVGD*, *Mutation Taster*, *ConSurf Server*, *BDGP* per l'interpretazione delle variazioni di sequenza.

- Date (da – a) Da aprile 2011 ad aprile 2012
- Nome e indirizzo del datore di lavoro Ospedale San Camillo Forlanini – Circonvallazione Gianicolense 87, Roma
- Tipo di azienda o settore Laboratorio di Genetica Medica - Dipartimento di Medicina Trasfusionale (DMT)
- Tipo di impiego Dottorato di Ricerca in Genetica Medica – XXVI Ciclo: "*Nuovi approcci molecolari nello studio dei meccanismi alla base della trasformazione neoplastica melanocitaria*"
- Principali mansioni e responsabilità Analisi mutazionale mediante sequenziamento dei geni coinvolti nel melanoma familiare (FAM).  
Ricerca di nuovi geni di suscettibilità al melanoma mediante *array-CGH*.

- Date (da – a) Da novembre 2010 a ottobre 2011
  - Nome e indirizzo del datore di lavoro Seconda Facoltà di Medicina e Chirurgia "Sapienza- Università di Roma" via di Grottarossa 1035, Roma
  - Tipo di azienda o settore s.s.d. MED/03 Genetica Medica
  - Tipo di impiego Assegno di ricerca: *"Analisi genetica delle malattie cardiovascolari monogeniche"*
  - Principali mansioni e responsabilità Selezione e messa a punto dell'analisi genetica dei principali geni coinvolti nella cardiomiopatia ipertrofica idiopatica mediante *DHPLC (Denaturing High Performance Liquid Chromatography)*, sequenziamento Sanger, analisi delle sequenze mediante software dedicato *"Sequencer"*, utilizzo dei database: *Blast, Clustaw, SIFT, Poliphen, Align GVGD*, per lo studio delle variazioni di sequenza.
- 
- Date (da – a) Da giugno 2009 a ottobre 2010
  - Nome e indirizzo del datore di lavoro Seconda Facoltà di Medicina e Chirurgia "Sapienza-Università di Roma" via di Grottarossa 1035, Roma
  - Tipo di azienda o settore s.s.d. MED/03 Genetica Medica
  - Tipo di impiego Assegno di ricerca *"Ruolo dei geni difettivi nel riparo del DNA nell'eziopatogenesi delle Atassie con Aprassia Oculomotoria"*
  - Principali mansioni e responsabilità Diagnosi differenziale di Atassia Telangiectasia e sindromi AT-like: Atassia Telangiectasia Like Disorder (ATLD), Atassia con Aprassia Oculomotoria di tipo 1 (AOA1), Atassia con Aprassia Oculomotoria di tipo 2 (AOA2) mediante *Western Blot* ed analisi mutazionale dei geni implicati con le seguenti tecniche: *DHPLC (Denaturing High Performance Liquid Chromatography)*, sequenziamento Sanger, analisi delle sequenze mediante software dedicato, estrazione mRNA (*Qiagen QIAamp RNA Blood Mini Kits*), *Reverse Transcriptase PCR*, sequenziamento cDNA per valutare possibili alterazioni dello splicing, utilizzo e analisi dati *MLPA (Multiple Ligation Probe Amplification)*, utilizzo dei database: *Clustaw, SIFT, Poliphen, Mutation Taster, BDGP* per lo studio delle variazioni di sequenza.
- 
- Date (da – a) Da maggio 2008 a Giugno 2009
  - Nome e indirizzo del datore di lavoro Seconda Facoltà di Medicina e Chirurgia "Sapienza- Università di Roma" via di Grottarossa 1035, Roma
  - Tipo di azienda o settore s.s.d. MED/03 Genetica Medica
  - Tipo di impiego Borsa di studio erogata dalla Fondazione Telethon nell'ambito del progetto di ricerca Telethon n.GGPO5226 *"DNA single strand breaks e neurodegeneration: the role of aprataxin and senataxin"*
  - Principali mansioni e responsabilità Diagnosi differenziale di Atassia con Aprassia Oculomotoria di tipo 1 (AOA1) e Atassia con Aprassia Oculomotoria di tipo 2 (AOA2) mediante *western blot* ed analisi mutazionale dei geni implicati.
- 
- Date (da – a) Da maggio 2005 a dicembre 2007
  - Nome e indirizzo del datore di lavoro Istituto CSS-Mendel viale Regina Elena, Roma
  - Tipo di azienda o settore Unità di Neurogenetica
  - Tipo di impiego Contratto di collaborazione a progetto
  - Principali mansioni e responsabilità Analisi mutazionale dei geni *PARK6-PINK1* e *PARK7-DJ-1, PARK2-Parkin, PARK8-LRRK2* responsabili di forme ereditarie di malattia di Parkinson per la rivelazione e la tipizzazione di mutazioni e polimorfismi genici mediante disegno di primers, PCR, elettroforesi su gel di agarosio, utilizzo e analisi dati *DHPLC (Denaturing High Performance Liquid Chromatography)*, tecniche di sequenziamento diretto, analisi delle sequenze mediante software dedicato.

- Date (da – a) Da gennaio 2003 ad aprile 2005
  - Nome e indirizzo del datore di lavoro "La Sapienza" Università degli Studi di Roma
  - Tipo di azienda o settore Dipartimento di Biotecnologie Cellulari ed Ematologia, laboratorio di Immunoematologia
  - Tipo di impiego Borsista
  - Principali mansioni e responsabilità Esecuzione di test pretrasfusionali; test di immunoematologia di I° e II° livello per la risoluzione di casi di immunizzazione semplice e complessa; identificazione dei fenotipi *ABO deboli*, identificazione delle varianti *Rh-D*; test per la diagnosi di emoglobinuria parossistica notturna.
- 
- Date (da – a) Anni 2000 – 2002
  - Nome e indirizzo del datore di lavoro "La Sapienza" Università degli Studi di Roma
  - Tipo di azienda o settore Dipartimento di Biotecnologie Cellulari ed Ematologia, laboratorio HLA
  - Tipo di impiego -
  - Principali mansioni e responsabilità Tipizzazione sierologica degli antigeni *HLA* di classe I mediante test di micro-linfo-citotossicità, tipizzazione degli antigeni *HLA* di classe II mediante tecniche molecolari (estrazione DNA da sangue o da *pellet* linfocitario, *PCR-ssp*, elettroforesi su gel d'agarosio) per i nuclei familiari dei pazienti avviati al trapianto di midollo, per i donatori da inserire nel registro donatori di midollo, per le unità di sangue da cordone ombelicale; ricerca di anticorpi *anti-HLA* in pazienti refrattari alle trasfusioni piastriniche, *crossmatch* sierologici, tipizzazioni e *crossmatch* sierologici nell'ambito dello studio dell'infertilità di coppia, studi di associazione tra antigeni *HLA* e patologie autoimmuni.
- 
- Date (da – a) Da luglio a settembre 2001
  - Nome e indirizzo del datore di lavoro La Sapienza" Università degli Studi di Roma
  - Tipo di azienda o settore Dipartimento di Biotecnologie Cellulari ed Ematologia – Laboratorio *HLA*
  - Tipo di impiego Contratto di sostituzione a tempo determinato con la qualifica di Assistente Biologo
  - Principali mansioni e responsabilità Tipizzazione sierologica degli antigeni *HLA* di classe I mediante test di micro-linfo-citotossicità, degli antigeni *HLA* di classe II mediante tecniche molecolari (estrazione DNA da *pellet* linfocitario, *PCRssp*, corsa elettroforetica su gel d'agarosio, ) per nuclei familiari dei pazienti avviati al trapianto di midollo, per i donatori da inserire nel registro donatori di midollo, per le unità di sangue da cordone ombelicale; ricerca di anticorpi *anti-HLA* in pazienti refrattari alle trasfusioni piastriniche, *crossmatch* sierologici, tipizzazioni e *crossmatch* sierologici nell'ambito dello studio dell'infertilità di coppia, studi di associazione tra antigeni *HLA* e patologie autoimmuni
- 
- Date (da – a) Anni 1997 – 2000
  - Nome e indirizzo del datore di lavoro "La Sapienza" Università degli Studi di Roma
  - Tipo di azienda o settore Dipartimento di Biologia cellulare e dello Sviluppo
  - Tipo di impiego Tirocinio pre e post laurea
  - Principali mansioni e responsabilità Tesi sperimentale "Modificazioni precoci della cromatina nucleare indotte da ischemia cerebrale globale transiente in neuroni ippocampali", utilizzando le seguenti tecniche: fissazione tessuto (ippocampo di ratto) e taglio sezioni mediante vibratomo, immunolocalizzazione a doppio anticorpo dell'ubiquitina, analisi densitometrica su microfotografie al microscopio elettronico mediante l'analizzatore *Zeiss-Kontron Elektronik*, estrazione DNA, marcatura terminale con "*terminal transferase kit*" della Boheringer, corsa elettroforetica su gel d'agarosio

## ISTRUZIONE E FORMAZIONE

|                                                                                                                                                                                                                                                                                               |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                       |
|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| <ul style="list-style-type: none"> <li>• Date (da – a)</li> <li>• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione</li> <li>• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio</li> <li>• Qualifica conseguita</li> <li>• Livello nella classificazione nazionale</li> </ul> | <p>Gennaio 2002 – Ottobre 2007</p> <p>“La Sapienza” Università degli Studi di Roma</p> <p>-</p> <p>Diploma di Specializzazione in Patologia Clinica con voto finale 70/70 con lode</p> <p>Tesi sperimentale: <i>“Caratterizzazione molecolare dei geni causativi del parkinsonismo recessivo in un’ampia casistica italiana”</i>.</p> <p>Diploma di Scuola di Specializzazione</p>                                                    |
| <ul style="list-style-type: none"> <li>• Date (da – a)</li> <li>• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione</li> <li>• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio</li> <li>• Qualifica conseguita</li> <li>• Livello nella classificazione nazionale</li> </ul> | <p>Anno 2001</p> <p>“La Sapienza” Università degli Studi di Roma</p> <p>-</p> <p>Esame di stato con votazione di 150/150</p> <p>Abilitazione all’esercizio della professione di biologo</p>                                                                                                                                                                                                                                           |
| <ul style="list-style-type: none"> <li>• Date (da - a)</li> <li>• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione</li> <li>• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio</li> <li>• Qualifica conseguita</li> <li>• Livello nella classificazione nazionale</li> </ul> | <p>Anni 1992 – 1999</p> <p>“La Sapienza” Università degli Studi di Roma</p> <p>Biologia molecolare, genetica molecolare, genetica umana</p> <p>Diploma di Laurea in Scienze Biologiche, indirizzo biomolecolare, con voto finale di 110/110 con lode. Tesi sperimentale: <i>“Modificazioni precoci della cromatina nucleare indotte da ischemia cerebrale globale transiente in neuroni ippocampali”</i></p> <p>Diploma di Laurea</p> |
| <ul style="list-style-type: none"> <li>• Date (da – a)</li> <li>• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione</li> <li>• Qualifica conseguita</li> <li>• Livello nella classificazione nazionale</li> </ul>                                                                            | <p>Anni 1986 - 1991</p> <p>Liceo classico “Mameli” di Roma</p> <p>Diploma di maturità classica con voto finale di 60/60 con lode</p> <p>Diploma di scuola secondaria superiore</p>                                                                                                                                                                                                                                                    |

## PRIMA LINGUA

## ITALIANO

## ALTRE LINGUE

## INGLESE

|                                 |             |
|---------------------------------|-------------|
| • Capacità di lettura           | Buono       |
| • Capacità di scrittura         | Buono       |
| • Capacità di espressione orale | Discreto    |
| • Capacità di lettura           | Sufficiente |
| • Capacità di scrittura         | Sufficiente |
| • Capacità di espressione orale | Sufficiente |

CAPACITÀ E COMPETENZE  
RELAZIONALI

Buone capacità relazionali ed attitudine al lavoro di gruppo con figure professionali diverse.

CAPACITÀ E COMPETENZE  
ORGANIZZATIVE

Capacità di organizzare il proprio lavoro e quello di altre persone in base alle scadenze.

CAPACITÀ E COMPETENZE  
TECNICHE

Estrazione *DNA* con metodiche manuali: fenolo-cloroformio, *salting-out* e con kit di estrazione (*Qiagen*, *Roche*, *Fuji*); estrazione *RNA* totale con metodica manuale mediante *TRIzol Reagent* (Invitrogen) e *mRNA* con *Qiagen QIAamp RNA Mini Kits*; disegno primers con NCBI-primer Blast, *PCR*, elettroforesi su gel d'agarosio, utilizzo e analisi dati *DHPLC*, tecniche di sequenziamento Sanger, *Reverse Transcriptase PCR*, analisi delle sequenze mediante software dedicati (*DNASTAR SeqMan*, *Sequencer*); *Next Generation Sequencing* con la tecnica "*targeted resequencing*" su *MiSeq System* (*Illumina*); utilizzo ed analisi dati *MLPA*; utilizzo dei database: *Clustaw*, *SIFT*, *Poliphen*, *Align GVGD*, *Mutation Taster*, *ConSurf Server*, *SpliceView*, *ESEfinder*, *BDGP*, *Human Splicing Finder* per lo studio delle variazioni di sequenza.

Tecniche di immunoematologia eritrocitaria, ricerca di auto- ed allo-anticorpi eritrocitari, identificazione dei fenotipi *ABO deboli* e delle varianti *Rh-D*; tecniche di immunoematologia piastrinica.

Tipizzazione HLA mediante test di microlinfocitotossicità e mediante tecniche molecolari; ricerca di anticorpi anti-HLA; *crossmatch* sierologici.

Metodica *NAT* per la ricerca costituenti virali *HCV, HBV, HIV* (Cobas Ampliscreen)

CAPACITA' INFORMATICA

Molto buona. Utilizzo quotidiano di programmi del pacchetto Office; utilizzo della piattaforma *Galaxy* integrata con le tecnologie di *cloud computing* sviluppate al CRS4 Bioinformatics Laboratory per l'interpretazione dei dati *NGS*; utilizzo delle piattaforme *IGV* (Integrative Genomics Viewer), *SureSelect*, *UCSC* ( ) per la verifica del *coverage* delle regioni *target*; utilizzo dei programmi (*Sequencing Analyses*, *Sequencher*, *SeqScape*, *DHPLC Software*) per l'analisi di sequenza e dei siti per *primers design*.

Ottima capacità di ricerca e lavoro sui principali siti di interesse biologico quali *PubMed*, *NCBI*, *Ensembl*, *UCSC*, *Genecard*, *Blast*, *ClustalW2* e di predizione *in silico* (*Sift*, *Polyphen-2*, *Align GVGD*, *Mutation Taster*, *ConSurf Server*, *BDGP*, *Human Splicing Finder*, *SpliceView*, *ESEfinder*).

Organizzazione e gestione di archivi elettronici per campioni biologici e dati clinici.

PATENTE O PATENTI

Patente cat. B

### Corsi e seminari recenti

- “Il Rene Policistico (ADPKD)” presso Ospedale San Raffaele via Olgettina 58 Milano, 30/10/2015.
- “Bringing Next Generation Sequencing to Your Clinical Lab” presso Ospedale San Raffaele via Olgettina 58 Milano, 25/03/2015.
- “SureCall: how to set up and run an analysis workflow for your sample sequencing data” presso Agilent Technologies Italia Spa di Cernusco sul Naviglio (MI), 20/03/2015
- “Analisi dati Next Generation Sequencing in Galaxy” presso il CRS4 Bioinformatics Laboratory del Parco Scientifico e Tecnologico Polaris di Pula (CA), 18-20 novembre 2014
- “Il Rene Policistico e le sue manifestazioni” AIRP onlus-Associazione Italiana Rene Policistico, Ramada Plaza Milano, 17/05/2014.

### Pubblicazioni

- - L. Laurenti, M.P. Perrone, M. Shafii Bafti, F. Ferrari, M. Screnci, I. Pasqua, G. Girelli. “HLA typing strategies in a cord blood bank” *Haematologica* 2002; 87: 851-854
- - R. marongiu, A. Ferraris, T. Ialongo, S. Michiorri, F. Soleti, F. Ferrari, A.E. Elia. “Pink1 heterozygous rare variants: prevalence, significance and phenotypic spectrum” *Human Mutation* 2008 Apr; 29(4): 565.
- - F. Grimaldi, A. Marmocchia, P. Lulli, P. Frangone, R.F. Fiore, C. Rossi, F. Ferrari, G. Labbadia, P. Falaschi “Frequenza degli aleli HLA nei pazienti affetti da epatite cronica HCV-correlata e predisposizione alla comparsa della patologia tiroidea immuno-mediata dopo trattamento antivirale” *Internal and Emergency Medicine* 2009 Supplemento vol. 4 n.86.
- - L. Folgori, A. Scarselli, G. Angelino, F. Ferrari, A. Antoccia, L. Chessa, A. Finocchi. “Cutaneous granulomatosis and combined immunodeficiency revealing Ataxia-Telangiectasia: a case report.” *Italian Journal of Pediatrics* 2010; 36: 29.
- - A. De Amicis, M. Piane, F. Ferrari, M. Fanciulli, D. Delia, L. Chessa. “Role of senataxin in DNA damage and telomeric stability” *DNA Repair* 2011 Feb; 10(2): 199-209.
- - F. Romano, A. Ferraris, V. Gelmetti, F. Ferrari, L. Brusa, E.M. Valente, B. Dalla piccola “Studio clinico, molecolare e funzionale di un caso di malattia di Parkinson idiopatica da mutazioni del gene PINK1” Abstract X Congresso Nazionale SIGU 14-16 novembre 2007 Montecatini Terme (PT).
- - Alesi L., Montefusco E., Ferrari A. Conte E., Ottone T., Lavoragna S., Amadori S., Ferrari F., Libi F., Lo Coco F., Chessa L. “t-AML con traslocazione t(16;21): identificazione di un

*hotspot come target di inibitori della topoisomerasi II nel gene AML1*" Abstract XI Congresso Nazionale SIGU 23-25 novembre 2008 Genova.

- - F. Ferrari, M. Piane, C. Savio, M. Masciullo, A. De Amicis, M. Santoro, G. Silvestri, L. Chessa "*Omozigosi per una nuova mutazione missenso del gene ATM in una paziente con atassia telangiectasia variante*" Abstract XII SIGU 8-10 novembre 2009 Torino.
- - M. Piane, C. Savio, A. Altigeri, R. Pusateri, F. Ferrari, N. Pasquale, M.T. Contestabile, L. Chessa "*Una nuova mutazione del gene CHM in una famiglia italiana con coroideremia*" Abstract XII SIGU 8-10 novembre 2009 Torino.
- - M. Piane, F. Ferrari, F. Libi, C. Rossi, M. Rapazzotti Onelli, G. Alfedì, L. Chessa "*Nuove mutazioni del gene SETX in pazienti affetti da atassia con aprassia oculomotoria di tipo 2 (AOA2)*" Abstract XIV SIGU 13-16 novembre 2011 Milano.
- - Castorina P., Giani M., Villa R., Tedeschi S., Ferrari F., Lepore M., Bergamoni S., Edefonti A. "*Sindrome di Sturge-Weber e malattia renale policistica dell'adulto: unica entità clinica o associazione casuale?*" SINP 17-19 ottobre 2013 Matera.

Autorizzo il trattamento dei dati e la pubblicazione sul sito web della Fondazione ai sensi della normativa vigente ed in particolare dell'art. 15 del d.lgs. n. 33 del 14 marzo 2013.

Data: 23 / 11 / 2015

Firma



- Allego come documento d'identità la PATENTE ed il PASSAPORTO
- Allego fotocopia certificato di laurea con voto, fotocopia certificato dell'esame di stato con voto, fotocopia certificato di specializzazione con voto, fotocopia attestato di partecipazione al corso "Il Rene Policistico e le sue Manifestazioni" del 17/05/2014, fotocopia attestato di partecipazione al corso "Analisi dati Next Generation Sequencing in Galaxy" del 18-20/11/2014 e fotocopia attestato di partecipazione al corso di aggiornamento "Il Rene Policistico" del 30/10/2015.